



# 創薬等先端技術支援基盤プラットフォーム

Basis for Supporting Innovative Drug Discovery and Life Science Research

## BINDS 発現・機能解析インシリコ融合ユニット講習会

2023年 **10/7** (土)  
13:00-17:40

主催：BINDS (創薬等先端技術支援基盤プラットフォーム)  
発現・機能インシリコ融合ユニット

開催方法：ハイブリッド (オンサイト + オンライン)

参加費：無料

定員：現地 40 名 / オンライン無制限

オンサイト会場：早稲田大学西早稲田キャンパス 63 号館 3 階 B ルーム

<https://www.waseda.jp/top/access/nishiwaseda-campus>

オンライン会場：Zoom



いずれの会場からの参加も、事前登録が必要です。左の QR コードまたは以下の URL から登録してください。後日参加に必要な情報をお送りします。

<https://www.binds-registration.info/regi/142>

BINDS の発現・機能解析インシリコ融合ユニットがもつオミックス解析技術とインシリコ情報解析技術を紹介/利用する講習会です。当該ユニットが日々行っている研究支援を想定した講習を実施します。はじめにオミックス解析技術をビデオ映像により紹介し、測定現場を擬似的に体験しながらどのような解析ができるのかを実感していただきます。その後測定で得られたデータを想定して、情報解析の技術を利用した RNA の構造解析、タンパク質の構造解析、および文献の解析を行ってまいります。詳細は BINDS のウェブもご参照ください。

プログラム (予定) :

- 13:00 はじめに 竹山春子 (早稲田大学)  
講習における想定研究支援シナリオの説明
- 13:15 ビデオを用いた実験現場紹介 竹山春子、松永浩子 (早稲田大学)、  
馬場健史、和泉自泰 (九州大学)  
臨床検体からデータ取得
- 13:50 RNAseq データの計算機解析 浜田道昭 福永津嵩 (早稲田大学)  
RNA 配列にもとづく機能解析実習
- 15:00 タンパク質データの計算機解析 由良 敬 (早稲田大学)  
タンパク質の配列と構造の解析実習
- 16:10 論文文献解析 村松知成 (東京大学)  
PubMed を用いた文献情報解析実習
- 17:00 支援申請者に返却するレポート 竹山春子、松永浩子 (早稲田大学)  
解析結果のとりまとめ
- 17:30 おわりに 由良 敬 (早稲田大学)

お問い合わせ

生命科学・創薬研究支援基盤事業 創薬等先端技術支援基盤プラットフォーム (BINDS)

BINDS 司令塔・調整機能活動サポート班 Email: assist@binds.jp