

配列解析によるプロテオミクス解析技術

[技術の概要]



- Caspase-3の基質とその切断部位を高精度に予測する手法。(ScreenCap3)
- ミトコンドリアターゲティング配列とその切断部位を高精度に予測する手法。(MitoFates)

既存手法に比べ、大規模データに対しても少ない擬陽性での予測が可能のため、caspase-3の基質やミトコンドリアタンパク質のスクリーニングの支援ツールとして最適。目的に応じ、創薬標的や疾患関連遺伝子の絞り込みにも利用可能。

(ScreenCap3サーバー)

<http://scap.cbrc.jp/ScreenCap3/>

(MitoFatesサーバー)

<http://mitf.cbrc.jp/MitoFates/>

[技術の利用例]

- Caspase-3が関わる細胞制御機構(アポトーシスなど)における新規因子のスクリーニング支援
- ミトコンドリア関連疾患に関わる新規ミトコンドリア局在遺伝子のスクリーニング支援
- 高精度の局在化シグナル配列領域の予測によるN末端の決定の支援

連絡先

[所属] 国立研究開発法人
産業技術総合研究所

[名前] 富井健太郎

[E-mail] k-tomii@aist.go.jp