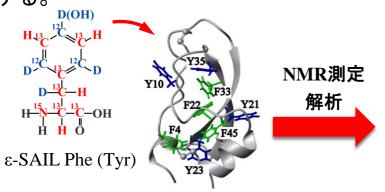
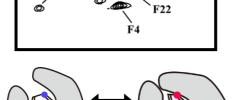
SAILアミノ酸選択標識体を利用したNMRプローブ実験

[技術の概要]

SAILアミノ酸選択標識体を利用した NMRプローブ実験

タンパク質ーリガンド間の相互作用に伴うタンパク質の動態変化(芳香環の反転運動、ジスルフィド結合の異性化、側鎖官能基の水素交換速度など)を、SAIL法をはじめとする多様な安定同位体標識技術と核磁気共鳴(NMR)法を駆使して明らかにする。





ε-SAIL Phe、Tyr 選択標識タンパク質

- ・相互作用、動態解析に最適な安定同位体標識の提案。
- ・生産領域(代表:大阪大学、分担:SAILテクノロジーズ) との連携による高度な安定同位体標識試料の調製
- ・SAILアミノ酸の利用により、高分子量タンパク質でも、高感度かつ 先鋭的なシグナルが得られる。
- ・リガンド認識等に関連する過渡的 な大振幅動態変化を捉える。

支援に供する設備名

高磁場核磁気共鳴装置 (名古屋大学構造生物学研究センター)

- •Bruker 社製 (900MHz、600MHz x 2台、500MHz x 2台)
- ・極低温プローブ装備



[技術の利用例]

- ・トリプシンとの複合体形成に伴う、BPTI タンパク質上のP1Lys 残基側鎖アミノ基の水素交換速度変化の解析。BPTI タンパク 質のジスルフィド結合の配座異性化の解析。TyrおよびPhe 残基側鎖芳香環の反転運動の解析。
- ・FKBP12蛋白質の各種免疫抑制剤との複合体界面に 位置するPhe、Tyr残基側鎖芳香環の反転運動に基づいた 界面揺らぎの解析。
- ・抗リゾチーム抗体によるリゾチーム認識に伴う動態変化の 解析。

その他、膜タンパク質や高分子量タンパク質複合体について リガンド結合に伴う動態変化を、様々なアミノ酸をプローブとし て解析する。

連絡先

[所属] 名古屋大学大学院理学研究科附属 構造生物学研究センター

[名前] 宮ノ入洋平、武田光広

[E-mail] miyanoiri.youhei@h.mbox.nagoya-u.ac.jp